

ترجمان دانش

دکتر محمد رفیعی

عنوان: بررسی ارتباط بین تغییرات بیان circRNA با پیش آگهی و ویژگی های کلینیکوپاتولوژیکال در بیماران لوسمی میلوئید

حاد: یک مطالعه سیستماتیک مروری و متاآنالیز

کد سمات: A-10-1757-7

همکاران طرح: یاسین میرعظیمی، امیرحسین آقایان، امیر آتشی و داوود محمدی

دانشکده: پیراپزشکی

تاریخ خاتمه طرح: ۱۴۰۴/۰۲/۲۰

تعیین گروه مخاطب:

- ☐ ۱. رسانه ها و عموم مردم
 - ☒ ۲. متخصصین سلامت
 - ☐ ۳. سیاست گذاران پژوهشی
 - ☐ ۴. سیاست گذاران درمانی
- خبر پژوهش:

ارزش پیش بینی بیان RNA های حلقوی و رابطه آن ها با ویژگی های کلینیکوپاتولوژیک در لوسمی میلوئید حاد: یک مرور سیستماتیک و فراتحلیل

پیام پژوهش:

لوسمی میلوئیدی حاد (AML) یکی از شایع ترین بدخیمی های خونی با طیف پروگنوزی بسیار گسترده و پاسخ به درمان متفاوت می باشد که این هتروژنسیته به عوامل مختلفی در رابطه با بیمار و بدخیمی ارتباط دارد. بنابراین آگاهی از عوامل و بیومارکرهای پروگنوزی به مدیریت هر چه بهتر این بیماری کمک می کند. در این مطالعه به صورت سیستماتیک تمامی مقالات مرتبط با RNA های حلقوی (CircRNA) که می تواند بر پیامد و پروگنوز AML تاثیر گذار باشد، مورد بررسی قرار گرفته است. همینطور اطلاعات آماری حاصل از مقالات به صورت متاآنالیز یا فراتحلیل مورد بررسی های بیشتر قرار گرفته و نتایج آن ارائه شده است. همچنین در این مطالعه به بررسی ارتباط بین بیان CircRNA ها و ۱۹ پارامتر کلینیکوپاتولوژیکال پرداخته شده است. طبق نتایج بدست آمده، این مرور سیستماتیک و متاآنالیز نشان می دهد که بررسی تغییرات بیان circRNAs می تواند به عنوان نشانگرهای ارزشمندی برای ارزیابی پیش آگهی در بیماران AML عمل کند. با استفاده از این نشانگر، می توان مدیریت بیماری را از نظر علائم کلینیکوپاتولوژیکال و همینطور بقای بیمار، بهتر انجام داد.

